AX123323
LOCUS   AX123323   1311 bp   DNA   linear   PAT 11-MAY-2001
DEFINITION   Sequence 3239 from Patent EP1108790.
ACCESSION   AX123323
VERSION   AX123323.1 GI:14040811
KEYWORDS   .
SOURCE   Corynebacterium glutamicum.
  ORGANISM   Corynebacterium glutamicum
              Bacteria; Firmicutes; Actinobacteria; Actinobacteridae;
              Actinomycetales; Corynebacterineae; Corynebacteriaceae;
              Corynebacterium.
REFERENCE   1 (bases 1 to 1311)
  AUTHORS   Nakagawa,S., Mizoguchi,H., Ando,S., Hayashi,M., Ochiai,K.,
              Yokoi,H., Tateishi,N., Senoh,A., Ikeda,M. and Ozaki,A.
  TITLE   Novel polynucleotides
  JOURNAL   Patent: EP 1108790-A 3239 20-JUN-2001;
              KYOWA HAKKO KOGYO CO., LTD. (JP)

FEATURES   Location/Qualifiers
     source   1. .1311
                      /organism="Corynebacterium glutamicum"
                      /db_xref="taxon:1718"

    Query Match   100.0%;   Score 1269; DB 6;   Length 1311;
    Best Local Similarity 100.0%; Pred. No. 0;
    Matches 1269; Conservative   0; Mismatches   0; Indels   0; Gaps   0;

Qy   1 gtgaagaaggggaatcaaccgggcgcgatgagctatcgcaacagtatccacattttgaca 60
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   43 GTGAAGAAGGGGAATCAACCGGGCGCGATGAGCTATCGCAACAGTATCCACATTTTGACA 102

Qy   61 gcctcgctgctggtcgtggggttgggagcttccgcccgcctgacgctgccgatgtttgcg 120
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   103 GCCTCGCTGCTGGTCGTGGGGTTGGGAGCTTCCGCCCGCCTGACGCTGCCGATGTTTGCG 162

Qy   121 ctgtcgtgcgtgctgttgtttgtgtggggtttttctgtacttctatggatcaaccaaacgc 180
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   163 CTGTCGTGCGTGCTGTTGTTTGTGTGGGGTTTTCTGTACTTCTATGGATCAACCAAACGC 222

Qy   181 gtagatttgagccacggcatgcagctgggctggctgtttgtgctgacgctggtgtggatt 240
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   223 GTAGATTTGAGCCACGGCATGCAGCTGGGCTGGCTGTTTGTGCTGACGCTGGTGTGGATT 282

Qy   241 tttatggtgccgatcgtgcccgtgtccatttatctgctgttcccgctgtttttcctctat 300
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   283 TTTATGGTGCCGATCGTGCCCGTGTCCATTTATCTGCTGTTCCCGCTGTTTTTCCTCTAT 342

Qy   301 ctacaggtgatgcctgacgtgagaggcattattgcgattttgggtgcgacagcgattgcg 360
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   343 CTACAGGTGATGCCTGACGTGAGAGGCATTATTGCGATTTTGGGTGCGACAGCGATTGCG 402

Qy   361 attgccagccagtattccgtgggggttgacctttggtggtgtgatgggtccggtggtctct 420
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   403 ATTGCCAGCCAGTATTCCGTGGGGGTTGACCTTTGGTGGTGTGATGGGTCCGGTGGTCTCT 462

Qy   421 gcgatcgtgaccgtggctattgattacgcgttccgcacgttgtggcgggtgaataatgaa 480
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   463 GCGATCGTGACCGTGGCTATTGATTACGCGTTCCGCACGTTGTGGCGGGTGAATAATGAA 522

```
Qy    481 aagcaggaattgattgatcagttgattgaaactcgctcccagctggcggtgacggaacga 540
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    523 AAGCAGGAATTGATTGATCAGTTGATTGAAACTCGCTCCCAGCTGGCGGTGACGGAACGA 582

Qy    541 aatgcgggtattgctgcggaacgtcaacgtattgcgcatgaaattcatgacacggtcgcc 600
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    583 AATGCGGGTATTGCTGCGGAACGTCAACGTATTGCGCATGAAATTCATGACACGGTCGCC 642

Qy    601 cagggactctcctccattcaaatgctgctgcatgtctctgaacaggagattctcgttgct 660
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    643 CAGGGACTCTCCTCCATTCAAATGCTGCTGCATGTCTCTGAACAGGAGATTCTCGTTGCT 702

Qy    661 gagatggaagagaagccaaaggaggcgatcgtgaagaagatgcgccttgcccgacaaaca 720
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    703 GAGATGGAAGAGAAGCCAAAGGAGGCGATCGTGAAGAAGATGCGCCTTGCCCGACAAACA 762

Qy    721 gcctccgacaatctcagtgaggctcgcgcgatgattgcggcgttgcaaccggcagcgctg 780
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    763 GCCTCCGACAATCTCAGTGAGGCTCGCGCGATGATTGCGGCGTTGCAACCGGCAGCGCTG 822

Qy    781 tctaaaacctccttggaagcagcacttcaccgcgtcacagaaccgttgttgggtattaat 840
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    823 TCTAAAACCTCCTTGGAAGCAGCACTTCACCGCGTCACAGAACCGTTGTTGGGTATTAAT 882

Qy    841 tttgtgatttctgtcgacggtgatgttcgccaactgcccatgaaaactgaagccaccctt 900
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    883 TTTGTGATTTCTGTCGACGGTGATGTTCGCCAACTGCCCATGAAAACTGAAGCCACCCTT 942

Qy    901 ctgcgaattgctcaaggtgcgatcggaaatgtggcgaaacattcagaggcgaaaaactgc 960
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    943 CTGCGAATTGCTCAAGGTGCGATCGGAAATGTGGCGAAACATTCAGAGGCGAAAAACTGC 1002

Qy    961 cacgtgacactaacctacgaagacacagaagtacgccttgatgtggttgatgacggtgtg 1020
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1003 CACGTGACACTAACCTACGAAGACACAGAAGTACGCCTTGATGTGGTTGATGACGGTGTG 1062

Qy   1021 ggttttgagccttcggaagtgtccagtaccccgctggccttggccatatcggcttaacc 1080
          |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1063 GGTTTTGAGCCTTCGGAAGTGTCCAGTACCCCGCTGGCCTTGGCCATATCGGCTTAACC 1122

Qy   1081 gcattgcagcagcgtgcgatggaattgcacggcgaagttatagtggaatctgcatatggg 1140
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1123 GCATTGCAGCAGCGTGCGATGGAATTGCACGGCGAAGTTATAGTGGAATCTGCATATGGG 1182

Qy   1141 cagggtactgcggtatctgcagcattgccggtggagccaccagagggggtttgtcggggcg 1200
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1183 CAGGGTACTGCGGTATCTGCAGCATTGCCGGTGGAGCCACCAGAGGGGTTTGTCGGGGCG 1242

Qy   1201 ccggttttggcagattcggactcaagtgctacaggcgaggttgaactaagttctccaact 1260
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1243 CCGGTTTTGGCAGATTCGGACTCAAGTGCTACAGGCGAGGTTGAACTAAGTTCTCCAACT 1302

Qy   1261 gacgatgag 1269
          |||||||||
Db   1303 GACGATGAG 1311
```